

出國報告 (出國類別: 開會)

「第 49 回日本研究皮膚科學會年
會」出國報告

服務機構: 國立臺灣大學醫學院附設醫院

姓名: 詹智傑、黃文里

派赴國家: 日本

出國期間: 113 年 12 月 5 日至 113 年 12 月 9 日

報告日期: 113 年 12 月 27 日

壹、摘要

團隊非常有幸可以前往日本名古屋參加第 49 回日本研究皮膚科學會年會，本次年會以「What We Have Learned and Where We Are Going!」為主題，除了探討皮膚疾病相關病理機轉、細胞生理及臨床應用等，年會也著重於最新研究技術的發表與使用者回饋，讓與會者對於皮膚相關學術研究有所收穫。此次除了透過海報的方式發表本實驗室的近期研究外，也聆聽了許多場演講及閱覽大量海報，從中學習其他學者的研究經驗並反思目前實驗室的實驗架構，期望我們可以將本次的經驗運用於後續研究中，提升自身工作能力並增加實驗室之研究完整度。

貳、目次

一、目的	1
二、過程	1
三、心得	3
四、建議事項	4
五、附錄	5

參、本文

一、目的：

本次日本研究皮膚科學會年會邀請皮膚疾病相關的學者透過演講或海報的方式，發表皮膚相關的細胞生理學、疾病機制、用藥經驗及臨床病例等學術成果，會議以學術研究交流為主軸，期許皮膚醫學之發展及國際化。本實驗室以皮膚發炎疾病的免疫機制為主要研究主題，除了分享近期研究成果外，藉由本次學會，期望可以汲取其他學者在皮膚醫學上的豐富知識，作為未來實驗的重要參考，另外詹醫師也受邀以主持人的身分參與會議。

二、過程：

日本研究皮膚科學會為日本最大的皮膚研究組織，會員以皮膚科醫師及皮膚相關領域的研究員為主，本次年會於 113 年 12 月 6 日至 113 年 12 月 8 日在日本名古屋 WINC AICHI 會議中心舉行，WINC AICHI 會議中心位於名古屋車站附近，從名古屋中部國際機場可搭乘特快列車抵達名古屋車站，只需步行 5 分鐘即可抵達會議中心，交通非常便利，會場指示清楚，場地寬敞且乾淨，讓與會者有良好的環境體驗。

演講依據主題安排在各會議室舉行，講者使用 9-12 分鐘的時間發表後，設有 3 分鐘的討論時間，讓與會者可以當場提問及參與討論。另外，會議提供書面海報專用展示間，並設有特定時間讓與會者可以直接與海報作者交流，較特別的是，年會在議程中安排海報作者可自願以口頭的方式，2 分鐘簡單介紹研究內容，讓與會者可以快速瞭解海報概要，如有興趣則可在會後閱覽海報得知詳細內容，或與作者討論。本次會議亦邀請生技公司及藥妝公司，分別分享最新實驗技術及藥妝產品，提供與會者日後實驗技術的選擇及業界最新趨勢。本次參與的演講整理

如下(此為專業領域，僅以英文表示)：

12 月 6 日 早上：Plenary Session 及 Concurrent Oral Session (Adaptive Immunity/Epidermal Structure and Barrier Function)

12 月 6 日 中午：Luncheon Seminar

12 月 6 日 下午：2-minute presentation (Adaptive Immunity/Auto Immunity)及(Auto Immunity/Carcinogenesis and Cancer/Cell-Cell Interaction in the Skin)

12 月 6 日 晚上：Evening Seminar (The Estee Lauder Companies)

12 月 7 日 早上：Late Breaking Abstract (由詹醫師擔任主持人)及 Plenary Session

12 月 7 日 中午：Luncheon Seminar (Clinique)

12 月 8 日 早上：Plenary Session 及 Concurrent Oral Session (Innate Immunity, Microbiology, Microbiome)

12 月 8 日 下午：Sponsored Lecture

本次會議其中一項主要目的為發表本實驗室近期之研究，研究主題為「個體轉錄組分析作為臺灣異位性皮膚炎患者治療反應的決定因素 (Individual Transcriptomic Profiling as a Determinant of Therapeutic Response to Patients with Atopic Dermatitis in Taiwan)」，Azathioprine (AZA)為臺灣異位性皮膚炎的常見用藥，然而 AZA 的治療效果具有個體差異，因此本實驗室透過 RNA 定序的方式，比較健康人、AZA 良好反應者及 AZA 不良反應者的基因差異，找出對 AZA 反應相關的關鍵基因，對於臨床用藥提出新的選擇方向，透過本次交流，期望將回饋納入本研究中，使本研究之內容更完整。

三、心得：

日本研究皮膚科學會年會著重於皮膚醫學的基礎學術研究，大會邀請許多國際學者分享自身的實驗結果，藉由聽演講及閱覽海報的過程中，擴展我們對皮膚科學的知識，促使我們對於目前實驗室的研究內容提出許多反思及想法，以下為本次會議讓我們印象深刻的主题內容(此為專業領域，僅以英文表示)：

- (一) 探討 classical monocyte (cMono) 在異位性皮膚炎之角色: 此研究運用 single cell RNA-sequencing 的方式分析異位性皮膚炎病人及健康人的 peripheral blood mononuclear cells (PBMCs)，找出異位性皮膚炎 cMono 的 biomarker，此研究與本實驗室的研究主题相關，並提供我們日後對於實驗結果分析的一項參考。(Yujin Lee. Characterization of Circulating Monocytes in Atopic Dermatitis through Single-Cell RNA Sequencing.)
- (二) 分析化膿性汗腺炎表皮角質細胞之基因: 此研究使用 Spatial transcriptomic analysis 分析表皮角質細胞的基因組，Spatial transcriptomic analysis 為較新穎的技術，因此此篇研究的取樣方式、結果呈現、後續分析皆成為我們未來實驗的參考對象。(Ken-Ichi Hasui, Yoshio Kawakami, Yoshihiro Matsuda, Yohei Yasutomi, Himino Ashida, Shuta Tomida, Shin Morizane. Spatial transcriptomic analysis of epidermal keratinocytes of the fistula lesions in hidradenitis suppurativa.)
- (三) 探討存在皮膚於的 long non-coding RNAs: 此研究運用到 3D organotypic epidermis，3D 細胞培養技術能提供更接近細胞實際生長的环境，且可能可以取代動物實驗，但實驗過程較為複雜，因此此研究提供很好的細胞模型範本。(Kunal Das Mahapatra, Özge Arslan, Jonathan Elton, Evelyn Kelemen, Longlong Lou, Markus Kretz, Enikő Sonkoly, Andor Pivarcsi. The skin-specific long non-coding RNA TEDAR regulates epidermal differentiation.)

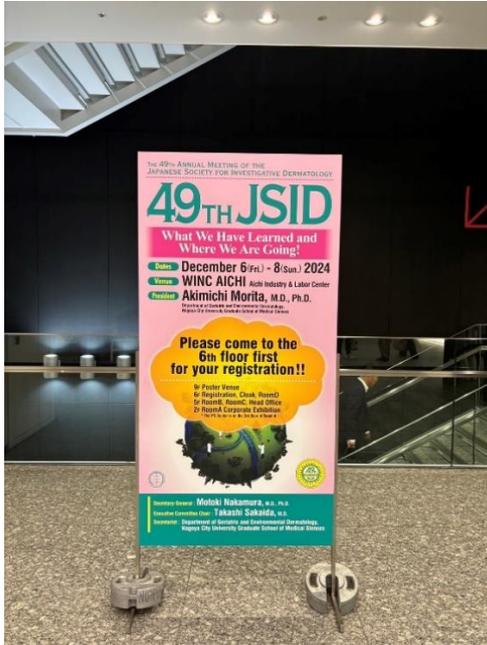
總結本次日本皮膚年會，大量閱覽其他實驗室的學術研究，無論是實驗設計、取樣方法、研究技術、後續分析、實驗結果，皆成為我們後續實驗非常重要的參考依據，期望可以將本次所學運用於未來實驗中，提升本實驗室的研究完整度。

四、建議事項：

本次會議以國際學術交流為主軸，讓與會者在皮膚醫學相關的學術研究擁有多方面的收穫，期望我國可以舉辦類似規模的學術研討會，提供研究員互相切磋的機會。另外，本次大會採用 2 分鐘演講的模式，讓海報作者可以自願性在臺上簡單介紹海報內容，雖然本次會議的海報非常多，但透過 2 分鐘演講可以讓與會者快速瞭解海報內容，且學會也安排特定時間讓海報作者可以在自身海報前面講解，並與與會者有實際交流，建議我國如有舉辦相關研討會，也可以舉行短時間的演講，增加與會者與海報作者相互學習的機會。

五、附錄

圖一：會議中心一樓設有大會看板



圖二：會議中心設置清楚指示，讓與會者可以一目了然



圖三：演講場地寬廣且舒適

