

出國報告（出國類別：開會）

2023 德國柏林歐洲皮膚病學暨性病學年會 心得報告

服務機關：高雄榮民總醫院/皮膚科

姓名職稱：游偉雯/醫師

派赴國家：德國柏林

出國期間：2023/10/09-2023/10/16

報告日期：2023/11/03

摘要

參加 2023 歐洲皮膚病學暨性病學會年度會議，這個會議提供難得的學習和交流機會。會議中來自世界各地的專家演講，分享最新的皮膚科研究成果和臨床實踐，特別是新治療方法和藥物。這些知識對專業生涯有顯著影響。

此外，我代表本院發表醫學海報，題為"化膿性大汗腺炎病變皮膚組織的差異性單細胞 RNA 序列分析：比較接受抗 TNF 生物療法和未接受治療的患者"。這次經驗讓我分享我們的研究成果，也在學術界建立更多的聯繫。展示會上最新皮膚科技術和產品也令人印象深刻，特別帶回一組便攜式的皮膚鏡，期待未來能在臨床實踐中應用這些工具。EADV 2023 年度會議提供難得的學習和專業成長機會，期待將這些新知識和經驗應用於未來的項目中，與同事分享這些寶貴的見解。

關鍵字 皮膚科、化膿性大汗腺炎、歐洲皮膚病學暨性病學年會

目次

一、目的.....	4
二、過程.....	4
三、心得及建議.....	5
附錄	6

一、目的

參加 2023 EADV 會議的目的在於深化對皮膚科學的知識，瞭解最新研究成果，尋求新的治療方法，並建立寶貴的專業聯繫。同時，發表醫學海報代表本院，分享我們的研究成果，為皮膚疾病的診斷和治療作出貢獻。此外，參觀展示會，了解最新的皮膚科技術和產品，以應用於未來的臨床實踐。這次會議將對我的專業生涯和臨床工作產生積極影響。

二、過程

第一天：會議開幕，參與者來自世界各地。參加的重頭戲是參加化膿性大汗腺炎 EHSF (European Hidradenitis Suppurativa Foundation) 的研討會，這次研討會為對這一罕見皮膚疾病的專業醫生提供了寶貴的洞察和最新的治療方法。主題演講者分享最新的皮膚科研究，強調化膿性大汗腺炎的診斷和治療。下午，參加了皮膚病理的研討會，聽到歐洲學者對少見皮膚腫瘤病變的病理學研究和診斷分享。

第二天：早上，學術會議繼續，重點是異位性皮膚炎的最新研究和新藥更新。專家們分享最新的治療方法和臨床試驗的結果，提供對異位性皮膚炎患者更好的醫學照護的見解。下午，專家分享美國及歐洲專家的乾癬治療，強調醫病溝通和制定治療計劃的經驗分享，以提供更好的醫學照護。

第三天：參會的第三天，我到電子海報區進行交流。這次有機會代表本院發表了一份醫學海報，標題為"化膿性大汗腺炎病變皮膚組織的差異性單細胞 RNA 序列分析：比較接受抗 TNF 生物療法和未接受治療的患者"。這次經驗讓我深入研究並分享我們的研究成果，也在學術界建立了更多的聯繫。能夠在國際舞台上分享我們的研究成果，不僅為我個人帶來了滿足感，也為本院的專業聲譽增光添彩。下午繼續參加學術會議，特別感興趣的主題是性病研討，包括性病的治療和疫苗施打的新觀念。專家提供了關於性病的最新資訊，並討論治療方法的最佳醫學實踐。

第四天：會議的最後一天，我參觀了展示會，並對那裡展示的最新皮膚科技術和產品印象深刻。特別引人注目的是各種型態的皮膚鏡，這些工具可以在臨床實踐中提供寶貴的幫助。我甚至購買了一組便攜式的皮膚鏡，期待未來能將其應用於我們的醫學實踐中，以提高患者的

臨床診斷水準，甚至能作為未來皮膚鏡與病理發現的研究新素材。這些最新的技術和產品將為我們提供更多工具，以確保提供給患者的醫學診斷是最先進和有效的。

這次會議提供了一個豐富多彩的學習和交流機會，涵蓋了多個皮膚科學領域，並強調了不同專業領域的最新趨勢和最佳醫學實踐。參加者將這些知識和經驗應用於未來的醫學實踐中，以提供更好的醫學治療。

三、心得及建議

出國會議的主要目標在於提升我們的專業知識和技能，以應用於我們的醫學實踐，同時擴展我們的專業網絡。為了更進一步提高我們的品質和效能，以下是一些心得與想法：

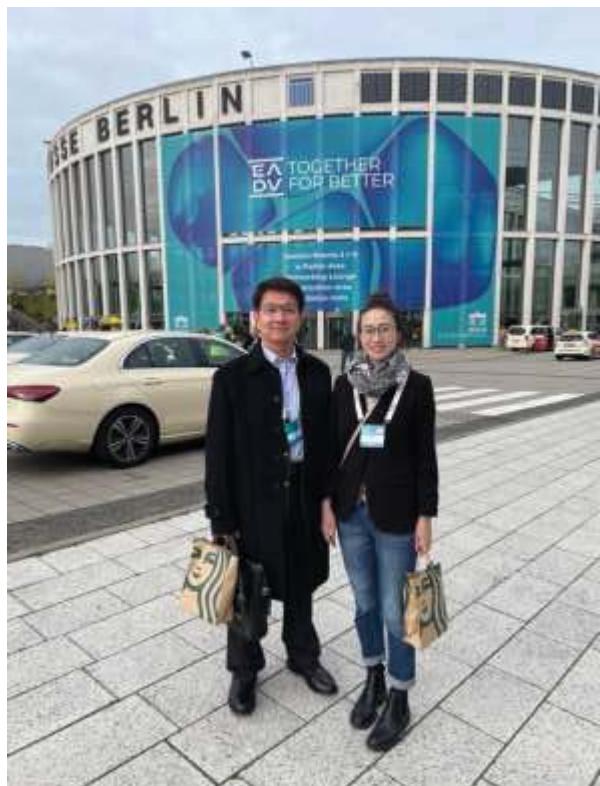
可以將從出國會議帶回的最新資訊納入我們的例行性科內晨會和期刊討論會中。這包括最新疾病機轉、新藥物使用資訊、大型人體試驗的結果等等。這樣可以讓醫學同僚以及訓練中的住院醫師及時了解和學習到最新的專業知識，從而提高我們的臨床實踐水準。

另外，我們也會鼓勵學弟妹或其他同事積極爭取參加其他大型國際學術會議和培訓課程，以保持專業知識的更新和提升。

建議院方也可以持續提供甚至增加公假公費支援的名額，以鼓勵後進參與進一步的專業發展。這將有助於增廣見聞，拓寬國際視野，並讓更多同事受益於國際學術交流的機會。

附錄









PC: DIA Congress 2024 Poster - www.magecconferences.com

P0124 Differential Single Cell RNA Sequencing Analysis of Lesional Skin Tissue in Hidradenitis Suppurativa: Comparing Anti-TNF Biologics-Treated and Non-Treated Patients

Acne and related disorders, hidradenitis suppurativa

Date and place: 11 October 2024 08:00 AM
e-Poster view

Preview: This preview is to check slide or poster formatting and playback of video files only. You will not hear your voice in case you have pre-recorded the content.

Differential Single Cell RNA Sequencing Analysis of Lesional Skin Tissue in Hidradenitis Suppurativa: Comparing Anti-TNF Biologics-Treated and Non-Treated Patients

Abstract: Hidradenitis suppurativa (HS) is a chronic, inflammatory skin condition characterized by recurrent nodules and abscesses. The underlying pathophysiology is complex, involving genetic, environmental, and immunological factors. In recent years, biologics targeting tumor necrosis factor-alpha (TNF-α) have shown promise in managing HS. However, the cellular and molecular mechanisms behind their efficacy remain largely unknown. This study aims to use differential single-cell RNA sequencing (scRNA-seq) to analyze lesional skin tissue from patients with HS, comparing those treated with anti-TNF biologics to those who have not received such therapy. The analysis will focus on identifying key cellular populations, gene expression profiles, and potential biomarkers that may explain the therapeutic response to biologics. This research has the potential to provide insights into the pathophysiology of HS and inform future treatment strategies.

Keywords: Hidradenitis suppurativa, scRNA-seq, anti-TNF biologics, cellular analysis, gene expression.

bioRxiv preprint doi: https://doi.org/10.1101/2024.09.11.552122; this version posted September 11, 2024. The copyright holder for this preprint (which was not certified by peer review) is the author/funder, who has granted bioRxiv a license to display the preprint in perpetuity. It is made available under a CC-BY-NC-ND 4.0 International license.

Back Print

